

1/10

Figure 1

1					50
1	MSDRQAALDM	ALKQIEKQFG	KGSIMKLGEQ	TETRISTVPS	GSLALDAAALG
2	MSDRQAALDM	ALKQIEKQFG	KGSIMKLGEK	TDTRISTVPS	GSLALD TALG
3	MSDRQAALDM	ALKQIEKQFG	KGSIMKLGEK	TDTRISTVPS	GSLALD TALG
4	MSDRQAALDM	ALKQIEKQFG	KGSIMKLGEK	TDTRISTVPS	GSLALD TALG
51					100
1	VGGYPRGRII	EVYGPSSSGK	TTVALHAI AE	VQQQGGQAAF	IDADTALDPV
2	IGGYPRGRII	EVYGPSSSGK	TTVALHAI AE	VQEKGGQAAF	IDA EHALDPV
3	IGGYPRGRII	EVYGPSSSGK	TTVALHAI AE	VQQQR.TSAF	IDA EHALDPV
4	IGGYPRGRII	EVYGPSSSGK	TTVALHAI AE	VQQQR.TSAF	IDA EHALDPV
101					150
1	YAQKLGVNID	ELL SQPDTG	EQALETAEAL	VRSGAVDIVV	IDSVAALVVK
2	YAQKLGVNIE	ELL SQPDTG	EQALETAEAL	VRSGAVDIVV	VDSVAALVVK
3	YAQKLGVNIE	ELL SQPDTG	EQALETAEAL	VRSGAVDIVV	VDSVAALVVK
4	YAQKLGVNIE	ELL SQPDTG	EQALETAEAL	VRSGAVDIVV	VDSVAALVVK
151					200
1	AEIEGDMGDS	HVGLQARLMS	QALRKLSGAI	NKSKTIAIFI	NQIREKVGVM
2	AEIEGDMGDS	HVGLQARLMS	QALRKLSGAI	NKSKTIAIFI	NQIREKVGVM
3	AEIEGDMGDS	HVGLQARLMS	QALRKLSGAI	NKSKTIAIFI	NQIREKVGVM
4	AEIEGDMGDS	HVGLQARLMS	QALRKLSGAI	NKSKTIAIFI	NQIREKVGVM
201					250
1	FGNPETTPGG	RALKFYSSVR	LEVRRAEQLK	QGNDVMGNKT	KIKVVKNKVA
2	FGNPETTPGG	RALKFYSSVR	LEVRRAEQLK	QGNDVMGNKT	RIKVVKNKVA
3	FGNPETTPGG	RALKFYSSVR	LEVRRAEQLK	QGNDVMGNKT	KIKVVKNKVA
4	FGNPETTPGG	RALKFYSSVR	LEVRRAEQLK	QGNDVMGNKT	KIKVVKNKVA
251					300
1	PPFRTAEVDI	MYGEGISKEG	EIIDLGTELD	IVQKSGAWYS	YQEERLGQGR
2	PPFRTAEVDI	MYGEGISKEG	EIIDLGTELD	IVQKSGSWYS	YEEERLGQGR
3	PPFRTAEVDI	MYGEGISKEG	EIIDLGTELD	IVQKSGSWYS	YEEERLGQGR
4	PPFRTAEVDI	MYGEGISKEG	EIIDLGTELD	IVQKSGSWYS	YEEERLGQGR
301					350
1	ENAKQFLKEN	KDILLMIQEQ	IREHYGLDTG	GAAPAQEDEA	QAQEELEFEE
2	ENAKQFLKEN	KDILLMIQEQ	IREHYGLDNN	G...VTEKAE	EVQEELEFEE
3	ENAKQFLKEN	KDILLMIQEQ	IREHYGLDNN	G...VVQQQAE	ETQEELEFEE
4	ENAKQFLKEN	KDILLMIQEQ	IREHYGLDNN	G...VVQQQAE	ETQEELEFEE